

Ф.И.О.: ПРИМЕР РЕЗУЛЬТАТА

Дата рождения: 01.01.2000 (26 л.) Пол: М

Регистрация биоматериала: 11.02.2026

Биоматериал: Кровь с ЭДТА;

Заявка №:

Заказчик: "Полное наименование
юридического лица"

Исполнитель: ООО "ДНКМ"

Фаза: (НЕ УКАЗАНА) (при 28-дн цикле)

**Исследование таргетной панели генов для диагностики наследственных
аритмогенных заболеваний сердца методом секвенирования следующего поколения (NGS)**

Показатель	Результат	Референсные значения
Исследование таргетной панели генов для диагностики наследственных аритмогенных заболеваний сердца методом секвенирования следующего поколения (NGS)	Не обнаружено патогенных и вероятно патогенных вариантов, а также вариантов неопределенного значения	Не обнаружено патогенных и вероятно патогенных вариантов, а также вариантов неопределенного значения

Заключение: Методом NGS проанализированы последовательности генов ACTC1, ACTN2, BAG3, CSRP3, DES, DSC2, DSG2, DSP, FHOD3, FLNC, HCN4, JPH2, JUP, LDB3, LMNA, MYBPC3, MYH7, MYL2, MYL3, NEXN, NKX2-5, PKP2, PLN, PRDM16, RBM20, RYR2, SCN5A, TAZ, TBX5, TMEM43, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TTN, TTR, VCL. В данных генах патогенных и вероятно патогенных вариантов не выявлено, что существенно снижает риск развития у пациента ассоциированных с данными генами несиндромальной гипертрофической кардиомиопатии, дилатационной кардиомиопатии, рестриктивной кардиомиопатии, аритмогенной кардиомиопатии правого желудочка, некомпактной кардиомиопатии левого желудочка. Однако, данный отрицательный результат не исключает у больного диагноза кардиомиопатии. Окончательный диагноз устанавливается на основании клинических, инструментальных и лабораторных данных; результаты генетического исследования требуют клинико-лабораторного сопоставления.

Заключение:

Дата выполнения исследования:

Исследование выполнил:

Пример результата